

# PCT

#### WELTORGANISATION FÜR GEISTIGES EIGENTUM Internationales Büro

# INTERNATIONALE ANMELDUNG VERÖFFENTLICHT NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS (PCT)

(51) Internationale Patentklassifikation 6:

(11) Internationale Veröffentlichungsnummer:

WO 95/01359

C07H 1/08, C12N 15/10, C07H 21/00

**A1** (43) Internationales Veröffentlichungsdatum:

12. Januar 1995 (12.01.95)

(21) Internationales Aktenzeichen:

PCT/EP94/02056

(22) Internationales Anmeldedatum:

24. Juni 1994 (24.06.94)

(81) Bestimmungsstaaten: CA, JP, US, europäisches Patent (AT, BE, CH, DE, DK, ES, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL,

PT, SE).

(30) Prioritätsdaten:

P 43 21 904.7

1. Juli 1993 (01.07.93)

DE

(71) Anmelder (für alle Bestimmungsstaaten ausser US): OIAGEN GMBH [DE/DE]; Max-Volmer-Strasse 4, D-40724 Hilden

(72) Erfinder; und

- (75) Erfinder/Anmelder (nur für US): COLPAN, Metin [TR/DE]; Uhlandstrasse 5, D-45219 Essen (DE). SCHORR, Joachim [DE/DE]; An der Schützenwiese 43, D-40321 Düsseldorf (DE). HERMANN, Ralf [DE/DE]; Meister-Gerhard-Strasse 2, D-50674 Köln (DE). FEUSER, Petra [DE/DE]; Belvedere-Strasse 46, D-50933 Köln (DE). BASTIAN, Helge [DE/DE]; Am Webersbüschken 22, D-40822 Mettmann (DE).
- (74) Anwälte: MEYERS, Hans-Wilhelm usw.; Deichmannhaus, Bahnhofsvorplatz 1, D-50667 Köln (DE).

#### Veröffentlicht

Mit internationalem Recherchenbericht. Vor Ablauf der für Anderungen der Ansprüche zugelassenen Frist. Veröffentlichung wird wiederholt falls Änderungen

(54) Title: CHROMATOGRAPHIC PURIFICATION AND SEPARATION PROCESS FOR MIXTURES OF NUCLEIC ACIDS

(54) Bezeichnung: VERFAHREN ZUR CHROMATOGRAPHISCHEN REINIGUNG UND TRENNUNG VON NUCLE-INSÄUREGEMISCHEN

### (57) Abstract

A chromatographic purification and separation process for mixtures of nucleic acids is disclosed. The nucleic acids to be separated and purified are adsorbed on a substrate from a solution which has a high salt concentration (ionic strength) and/or a high alcohol concentration, then desorption of the substrate is carried out by means of a solution with low salt concentration (ionic strength). The process is characterised in that the mixture of nucleic acids is adsorbed on a porous or non-porous mineral substrate made of metal oxides and/or mixed metal oxides, silica gel, materials composed mainly of glass, aluminium oxide, zeolithes, titanium dioxide, zirconium dioxide. The mixture of nucleic acids is adsorbed on the substrate from an aqueous adsorption solution with a high salt concentration (ionic strength) and with 1 to 50 % by volume aliphatic alcohol with a 1 to 5 carbon atoms long chain, and/or polyethylene glycols (PEG) and/or hydrophobic, inorganic and/or organic polymers and/or organic acids, such as trichloracetic acid (TCA). If required, the mixture of nucleic acids is then washed with a washing solution, eluted with a solution having a lower salt concentration (ionic strength) and the thus obtained nucleic acid or nucleic acid fraction is collected.

#### (57) Zusammenfassung

Verfahren zur chromatographischen Reinigung und Trennung von Nucleinsäuregemischen durch Adsorption der zu trennenden und reinigenden Nucleinsäuren aus einer Lösung, die eine hohe Salzkonzentration (Ionenstärke) und/oder eine hohe Alkoholkonzentration aufweist an einen Träger, gefolgt von einer Desorption von dem Träger mittels einer Lösung mit geringerer Salzkonzentration (Ionenstärke), dadurch gekennzeichnet, daß das Nucleinsäuregemisch an einem porösen oder nicht porösen mineralischen Träger aus Metalloxiden und/oder Metallmischoxiden, Silicalgel, Materialien, die überwiegend aus Glas bestehen, Aluminiumoxid, Zeolithe, Titandioxid, Zirkondioxid aus einer wäßrigen Adsorptionslösung mit hoher Salzkonzentration (Ionenstärke) und mit 1 bis 50 Vol.- % aliphatischen Alkohols einer Kettenlänge von C1 - C5 und/oder Polyethylenglykol (PEG) und/oder hydrophobe, anorganische und/oder organische Polymere und/oder organische Säure, wie Trichloressigsäure (TCA), adsorbiert wird; gegebenenfalls mit einer Waschlösung gewaschen und danach mit einer Lösung geringerer Salzkonzentration (Ionenstärke) eluiert wird und die erhaltene Nucleinsäure oder Nucleinsäurefraktion gesammelt wird.

# LEDIGLICH ZUR INFORMATION

Codes zur Identifizierung von PCT-Vertragsstaaten auf den Kopfbögen der Schriften, die internationale Anmeldungen gemäss dem PCT veröffentlichen.

					****
AT	Österreich	GA	Gabon	MR	Mauretanico
AU	Australien	GB	Vereinigtes Königreich	MW	Malawi
BB	Barbados	GE	Georgica	NE	Niger
BE	Belgien	GN	Guinea	NL	Niederlande
BF	Burkina Faso	GR	Griechenland	NO	Norwegen
BG	Bulgarien .	HU	Ungarn	NZ	Neusceland
BJ	Benin	DΕ	irland	PL	Polen
BR	Brasilien	П	Italien	PT	Portugal .
BY	Belarus	JP .	Japan	RO	Rumanico
CA	Kanada	KE	Кепуа	RU	Russiache Föderation
CF	Zemrale Afrikanische Republik	KG	Kirgisistan	SD	Sudan
CG	Kongo	KP	Demokratische Volksrepublik Korea	SE	Schweden
CH	Schweiz	KR	Republik Korea	SI	Slowenica
CI	Côte d'Ivoire	KZ	Kasachstan	SK	Slowakei
CM	Kamerun	LI	Liechtenstein	SN	Senegal
CN	China	LK	Sri Lanka	TD	Tschad
cs	Tschechoslowakei	LU	Luxemburg	TG	Togo
cz	Tschechische Republik	LV	Lettland	ŢĴ	Tadochikistan
DE	Deutschland	MC	Monaco	TT	Trinidad und Tobago
DK	Dägemark	MD	Republik Moldau	UA	Ukraine
ES	Spanien	MG	Madagaskar	US	Vereinigte Staaten von Amerika
fī	Finnland	MIL	Mali	UZ	Usbekistan
FR	Frankreich	MIN	Mongolei	VN	Vietnam
- 14			<b>w</b>		

# Verfahren zur chromatographischen Reinigung und Trennung von Nucleinsäuregemischen

Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist ein Verfahren zur chromatographischen Reinigung und Trennung von Nucleinsäuregemischen gemäß Oberbegriff des Anspruchs 1, die Verwendung des Verfahrens zur Reinigung von Nucleinsäurefragmenten, die Modifizierungsreaktionen unterzogen worden sind, eine Vorrichtung zur Durchführung des Verfahrens, eine wäßrige Lösung, die im erfindungsgemäßen Verfahren einsetzbar ist sowie die Verwendung dieser Lösung.

Die Adsorption von Nucleinsäuren an Glas- oder Silicagelpartikeln in Gegenwart von chaotropen Salzen ist bekannt (Vogelstein, B. and Gillespie, D. (1979) Preparative and analytical purification of DNA from agarose., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 76: 615 - 619). Gemäß dieser Methode wird DNA aus Agarosegelen sowie RNA- und DNA-Präparate aus verschiedenen Extrakten unter Verwendung von hohen Konzentrationen chaotroper Salze in Natriumiodid, Natriumperchlorat oder Guanidinthiocyanat isoliert und gereinigt (Boom, R. et al. (1990) Rapid and simple method for purification of nucleic acids, J. Clin. Microbiol. 28, 495 - 503 und Yamado, O. et al. (1990) A new method for extracting DNA or RNA for polymerase

chain reaction. J. Viro. Methods 27, 203 - 210). Zwar sind die genauen pysikalischen Vorgänge, die zu einer Adsorption der Nucleinsäuren in Gegenwart chaotroper Reagenzien an mineralische Träger führen nicht im Detail geklärt, jedoch geht man davon aus, daß die Ursache für die Adsorption in der Störung übergeordneter Strukturen des wäßrigen Milieus zu suchen ist. Dabei wird die in Lösung befindliche Nucleinsäure an der Oberfläche der Glas- bzw. Silicalgelpartikel adsorbiert oder denaturiert. Die Adsorption ist in Anwesenheit von hohen Konzentrationen chaotroper Salze fast quantitativ. Die Elution der adsorbierten Nucleinsäuren erfolgt in Anwesenheit von Puffern mit geringer Ionenstärke (Salzkonzentration). Durch die Verfahren des Standes der Technik werden Nucleinsäuren und Fragmente einer Größe von 100 Basenpaaren (bp) bis 50.000 Basenpaaren (bp) ermöglicht. Es war bislang jedoch nicht möglich, kurze einzel- oder doppelsträngige Nucleinsäurefragmente (100 bp und kleiner) von sehr kurzen (20 bis 40 Nucleotide) einzelsträngigen Oligonucleotiden (Primern) quantitativ zu trennen.

Diese Nucleinsäuregemische entstehen typischerweise als Amplifikationsprodukte zum Beispiel gemäß der Polymerase-kettenreaktion (PCR). Die aus dieser Reaktion entstehenden Produkte werden häufig anschließend molekularbiologisch analysiert, indem die üblichen Techniken wie DNA-Sequenzierung, DNA-Hybridisierung, Klonierung, Restriktion und Transformation durchgeführt werden. Damit lassen sich analytische Parameter wie Aussagen über Genmutationen für die genetische Beratung oder Erregernachweise in der medizinischen Diagnostik (HIV) gewinnen. Um das Potential dieser Diagnostikverfahren nutzen zu können, ist eine quantitative Trennung bzw. Reinigung dieser häufig recht kleinen DNA-Fragmente (100 Basenpaare) sehr wichtig.

Die zur Zeit zur Verfügung stehenden Reinigungsmethoden basieren auf der Ultrafiltration, der High Pressure Liquid Chromatography (HPLC) oder der Extraktion von Nucleinsäurefragmenten aus Agarosegelen in Anwesenheit chaotroper Salze durch Niederschlagen auf Glas- oder Silicagelpartikel. Diese Methoden sind jedoch nur mit niedriger Effizienz zur Trennung von Nucleinsäuregemischen bestehend beispielsweise aus einem kurzen doppelsträngigen DNA-Fragment (100 bp) und einem kleineren einzelsträngigen Oligonucleotid (zum Beispiel 39 mer) geeignet.

Das technische Problem der vorliegenden Erfindung besteht darin, ein Verfahren bereitzustellen, mit dem es möglich ist, die oben genannten Nachteile des Standes der Technik zu vermeiden. Gelöst wird das Problem durch ein Verfahren zur chromatographischen Reinigung und Trennung von Nucleinsäuregemischen gemäß den Merkmalen des Anspruchs 1. Die darauf folgenden Unteransprüche 2 bis 13 betreffen bevorzugte Ausführungsformen des erfindungsgemäßen Verfahrens.

Der Anspruch 14 betrifft eine Verwendung des erfindungsgemäßen Verfahrens zur Reinigung von Nucleinsäurefragmenten nach Modifizierungsreaktionen. Der Anspruch 15 betrifft eine Vorrichtung zur Durchführung des erfindungsgemäßen Verfahrens und Anspruch 16 betrifft eine bevorzugte Ausführungsform der erfindungsgemäßen Vorrichtung. Der Anspruch 17 betrifft eine wäßrige Lösung verwendbar im erfindungsgemäßen Verfahren und Anspruch 14 betrifft eine Zusammenstellung der Komponenten gemäß Anspruch 15 und Anspruch 17.

Das erfindungsgemäße Verfahren nutzt die an sich bekannte Eigenschaft von Nucleinsäuren aus, in Gegenwart chaotroper Salze, Salzlösungen hoher Ionenstärke (hoher Konzentrationen), Reagenzien wie z. B. Harnstoff oder von Mischungen dieser Substanzen auf mineralischen Träger niederzuschlagen und durch Einwirkung von Lösungen geringer Ionenstärke (Salzkonzentration) zu eluieren. So schlägt die PCT/EP 92/02775 der Anmelderin vor, ein Nucleinsäuregemisch zunächst in einem Medium niederer Ionenstärke auf einem Anionenaustauschermaterial zu adsorbieren, danach die Nucleinsäure mit

einem Puffer höherer Ionenstärke zu desorbieren und danach im Puffer mit dieser höheren Ionenstärke in Gegenwart von niederen Alkoholen und/oder Polyethylenglycol und/oder organischer Säuren, wie Trichloressigsäure (TCA), die Nucleinsäuren auf einem mineralischen Trägermaterial zu adsorbieren. Die Nucleinsäuren werden dann vorzugsweise mit Wasser oder einer Pufferlösung geringer Ionenstärke eluiert.

Es hat sich nun herausgestellt, daß zur Trennung von Nucleinsäuren die vorherige Reinigung an Anionenaustauschermaterialien unterbleiben kann. Überraschenderweise läßt sich auch durch die Adsorption von Nucleinsäuren in Gegenwart chaotroper Salze hoher Konzentration und Desorption der Nucleinsäuren mit Lösungen geringer Ionenstärke eine hervorragende Fraktionierung eines Nucleinsäuregemisches erzielen.

Durch das erfindungsgemäße Verfahren wird es mithin ermöglicht, in einem Arbeitsschritt durch Adsorption der zu trennenden Nucleinsäuren und Elution in effizienter Weise interessierende Nucleinsäurefraktionen zu erhalten, ohne vorherige Reinigungsschritte.

Sollen nucleinsäurehaltige Proben als Quellen der zu reinigenden und isolierenden Nucleinsäuren dienen, werden diese Quellen in an sich bekannter Weise aufgeschlossen, beispielsweise durch Detergenzbehandlung oder mechanische Einflüsse wie Ultraschall oder Zerkleinern. Dabei kann die zur Aufnahme der Nucleinsäuren verwendete Lösung bereits chaotrope Salze in hoher Konzentration enthalten. Nach Entfernung eventuell vorhandener grober Zellbestandteile durch Zentrifugation oder Filtration (WO 93/11218 und WO 93/11211) wird die Lösung dann mit einem mineralischen Trägermaterial in Kontakt gebracht, um aus der Lösung mit hoher Ionenstärke chaotroper Salze die Nucleinsäuren auf dem mineralischen Träger zu adsorbieren.

Eine Abwandlung des erfindungsgemäßen Verfahrens besteht darin, den Aufschluß der Nucleinsäuren direkt in dem Puffersystem, das zur Adsorption eingesetzt wird, durchzuführen. Dann wird eine besonders günstige Nucleinsäureverteilung gewinnbar.

Üblicherweise werden Nucleinsäuren aus eukaryontischen und/oder prokaryontischen Zellen (darunter auch Protozoen und Pilze) und/oder aus Viren gewonnen. Dabei werden die Zellen und/oder Viren beispielsweise unter stark denaturierenden und gegebenenfalls reduzierenden Bedingungen aufgeschlossen (Maniatis, T., Fritsch, E.F. & Sambrook, S., 1982, Molecular Clonin Laboratory Manual, Cold Spring Harbor University Press, Cold Spring Harbor).

Eine besondere Ausführungsform der Erfindung eignet sich insbesondere zur Plasmid- oder Cosmid-DNA-Präparation aus E.coli. Nach der Lyse der E.coli-Zellen mit Natronlauge/SDS wird mit 0,2 - 0,9 M Kaliumacetat (KAc) neutralisiert.

Üblicherweise wird nach der Lyse der Zellaufschluß mit SDS mit 3 M Kaliumacetat neutralisiert. Um die Zellbruchstücke abzuzentrifugieren, wird dem Zell-Lysat dann 5 M Guanidinhydrochlorid oder eine andere chaotrope Hochsalzlösung zugegeben. Bei Minipräparationen von E.coli ergibt dies ca. 2 - 3 ml der an Silicagel zu adsorbierenden Probe, was jedoch nachteilig ist, da es dann in mehreren Stunden abzentrifugiert werden muß.

Das erfindungsgemäße Verfahren verwendet nach der Natronlauge/SDS Lyse z. B. Salzlösungen mit vorzugsweise

```
0,2 M KAc / 5,5 M GuHCl,
```

<sup>0,2</sup> M KAc / 5,5 GITC,

<sup>0,2</sup> M NaAc / 6 M Na ClO4,

<sup>0,2</sup> M NaAc / 6 M GuHCl sowie

<sup>0,2</sup> M  $NH_4Ac / 6$  M  $NaClO_4$ .

- 6 -

Dadurch wird eine Neutralisation der Zell-Lyse und gleichzeitige Einstellung der Probe auf Hochsalzbedingungen in Silicagel erreicht, wodurch eine wesentliche Arbeitserleichterung in der täglichen Praxis erfolgt. Weiter wurde überraschenderweise festgestellt, daß die Adsorption von Nukleinsäuren an Silicagel auch in Anwesenheit von anionischen oder kationischen oder neutralen Detergentien, wie z. B. SDS, NP40, Tween 20 Triton X-100, CTAB in Kombination mit chaotropen Salzen stattfindet, oder durch die Anwesenheit dieser Detergentien die DNA-Ausbeute sogar noch erhöht.

Weit verbreitet ist der Aufschluß der Zellen mit Detergenzien als denaturierende Reagenzien und die Verwendung von bestimmten Enzymen zum Abbau der Proteinstrukturen und nucleinsäurespaltenden Enzymen. So werden beispielsweise Natriumdodecylsulfat (SDS) und EDTA als denaturierende Agenzien verwendet und Proteinase K zum Abbau von Proteinen. Das Ergebnis dieses Aufschlußverfahrens ist meistens eine hochviskose gallertartige Struktur, aus der die Nucleinsäuren mittels Phenolextraktion isoliert werden. Die Nucleinsäuren bleiben dabei in großer Länge erhalten und werden nach Dialyse und Präzipitation aus der wäßrigen Phase entfernt. Dieses Aufschlußverfahren ist gegenüber Nicht-Nucleinsäure-Strukturen so aggresiv, daß dem Verfahren auch Gewebestücke unterworfen werden können.

Wegen der arbeitsintensiven Technik mit mehrfachem Wechsel der Reaktionsgefäße ist diese Methode jedoch für große Probenaufkommen und Routinepräparationen ungünstig. Dieses Verfahren ist zwar automatisierbar, jedoch bewältigt eine handelsübliche Apparatur gegenwärtig etwa 8 Proben gleichzeitig in vier Stunden (Applied Biosystems A 371). Das Verfahren ist somit teuer und eignet sich nicht für die Durchschleusung großer Probenserien. Weiterhin ist nachteilig, daß die Folgereaktionen, wie enzymatische Amplifi-

- 7 -

kation, infolge der großen Längen der isolierten Nucleinsäuren gestört sind. Darüber hinaus sind die anfallenden Lösungen hochviskos und schwer handhabbar. Insbesondere DNA sehr großer Länge ist eher störend, da die mit dem Verfahren gemäß dem Stand der Technik gewonnenen Nucleinsäuren gesondert zerkleinert werden müssen, um weiterverarbeitet werden zu können.

Der Aufschluß von eukaryontischen und/oder prokaryontischen Zellen und/oder Viren in alkalischem Milieu in Gegenwart von Detergenzien, ist technisch zwar einfach, liefert jedoch auch Nucleinsäuren mit großer Länge, die wie oben geschildert von Nachteil sind.

An die Rohpräparation der Nucleinsäuren schließen sich Folgereaktionen an. Diese Folgereaktionen erfordern eine bestimmte Qualität der Nucleinsäuren. So müssen diese weitestgehend unversehrt sein, die Ausbeute der Präparation muß hoch und reproduzierbar sein, außerdem müssen die Nucleinsäuren in hoher Reinheit, frei von Proteinen und Zellmetaboliten vorliegen. Der Präparationsweg muß einfach und wirtschaftlich sein und die Möglichkeit zur Automation bieten. Die Präparation der Nucleinsäuren muß ohne die Gefahr von Kreuzkontamination anderer Proben möglich sein, insbesondere wenn enzymatische Amplifikationsreaktionen, wie Polymerase Chain Reaction (PCR) (Saiki, r., Gelfand, D.H., Stoffel, S., Scharf, s.J., Higuchi, R., Horn, G.T., Mullis, K.B. & Ehrlich, H.A. (1988), Science 239, 487 - 491) und Ligase Chain Reaction (LCR) ( EP-A-8 83 11 741.8), Anwendung finden. Für diese Folgereaktionen ist es wünschenswert, die Nucleinsäuren in nicht zu großer Kettenlänge zu erhalten, die Zellen möglichst quantitativ aufzuschließen und im übrigen die oben genannten Nachteile der im Stand der Technik bekannten Aufschlußverfahren zu vermeiden.

Es ist mithin wünschenswert, daß ein Verfahren die Isolierung und Konzentrierung von Nucleinsäuren aus intakten eukaryon-

tischen und/oder prokaryontischen Zellen und/oder Viren oder aus Körperflüssigkeiten ermöglicht. Insbesondere soll die dabei anfallende Nucleinsäure sich durch nicht zu große Kettenlängen auszeichnen, in wenigen Schritten isolierbar sein und direkt den erforderlichen Folgereaktionen unterworfen werden können.

Die weiter oben angegebene Modifikation des erfindungsgemäßen Verfahrens die dies ermöglicht, besteht darin, daß die Quellen der Nucleinsäuren wie eukaryontische und/oder prokaryontische Zellen und/oder Viren lysiert werden.

Der Aufschluß nucleinsäurehaltiger Quellen, wie eukaryontische und/oder prokaryontische Zellen und/oder Viren, kann dabei vorzugsweise durch physikalische oder chemische Einwirkung erfolgen. Dabei kann die Lyse entweder mechanisch wie mit Ultraschall oder durch osmotischen Schock oder chemisch mittels Detergenzien und/oder chaotropen Agenzien und/oder organischen Lösungsmitteln (z.B. Phenol, Chloroform, Ether) oder alkalischem Aufschluß erreicht werden.

Diese Verfahrensweise führt zur Präparation von Nucleinsäuren mit hoher Reinheit und erlaubt es, eine qualitativ und quantitativ reproduzierbare Analytik durchzuführen, insbesondere in Kombination mit enzymatischen Verfahren zur Amplifikation von Nucleinsäuren. Es hat sich gezeigt, daß Aufschlußmethoden mit Detergenzien und/oder chaotropen konzentrierten Salzlösungen, Agenzien, Reagenzien Harnstoff, Mischungen dieser Substanzen und/oder organischen Lösungsmitteln oder physikalische Aufschlußmethoden, wie Erhitzen einer Probe, die Folgeanwendungen erleichtert. Man erhält bei Anwendung des erfindungsgemäßen Verfahrens zum Beispiel kürzere zelluläre DNA (< 50 kb) beziehungsweise Gesamtnucleinsäuren aus Zellen und/oder Viren und/oder Körperflüssigkeiten. Die Reinigungsmethode (d.h. die Bedingungen der Bindung und Elution der Nucleinsäuren) führt zu einer Fragmentierung der Nucleinsäuren.

PCT/EP94/02056

Die Kombination aus chaotropen Agenzien hoher Ionenstärke und hydrophoben organischen oder anorganischen Polymeren und/oder Alkoholen und/oder Trichloressigsäure (TCA) im Adsorptionspuffer gewährleistet, daß die Nucleinsäuren im Gegensatz zu herkömmlichen Reinigungsverfahren nach der Lyse quantitativ und hochspezifisch an der Oberfläche des mineralischen Trägermaterials wie Quarzfasern fixiert werden und so vor weiterführenden Angriffen der Nucleasen geschützt sind, während kontaminierende Bestandteile des Lysates nicht binden. In diesem fixierten Zustand der Nucleinsäuren können restliche kontaminierende Bestandteile leicht ausgewaschen werden, gefolgt von der Elution der sauberen Nucleinsäure in einem kleinen Volumen. Man erhält so reproduzierbare Kettenlängen von durchschnittlich 20 bis 40 kb. Weniger als 10% sind kürzer als 10 kb unter den Aufschlußbedingungen, wie sie in den Beispielen 7 bis 9 beschrieben werden. Dies stellt eine optimale Längenverteilung für eine anschließende enzymatische Nucleinsäureamplifikation dar.

Die spezielle Kombination von Salzen, insbesondere chaotropen Agenzien, und Alkoholen ermöglicht es erstmals, Nucleinsäuren eines breiten Kettenlängenspektrums (10 - 100.000 Basenpaare) gleichzeitig zu isolieren und zu reinigen.

Die wäßrige Adsorptionslösung hoher Salzkonzentration enthält 1 bis 50 Vol.-% aliphatischen Alkohols einer Kettenlänge von 1 bis 5 C-Atomen oder Polyethylenglykol.

Als mineralische Träger kommen poröse oder nicht poröse Materialien auf Basis von Metalloxiden und Metallmischoxiden in Frage, wie solche aus Silicagel, Materialien, die überwiegend aus Glas bestehen, Aluminiumoxid, Zeolithe, Titandioxid, Zirkondioxid. Insbesondere Zeolithe haben sich als mineralisches Trägermaterial bewährt.

Gegebenenfalls kann das mineralische Trägermaterial mit den daran adsorbierten Nucleinsäuren mit einer Lösung gewaschen

- 10 -

werden, die aufgrund eines relativ hohen Alkoholgehaltes eine Desorption der Nucleinsäuren verhindert.

Danach werden die adsorbierten Nucleinsäuren mit einem Puffer geringer Salzkonzentration (Ionenstärke) eluiert und die erhaltenen Nucleinsäuren oder Nucleinsäurefraktionen gesammelt.

Als chaotrope Salze kommen Natriumperchlorat, Guanidin-hydrochlorid (GuHCl), Guanidinisothiocyanat (GTC), Kalium-iodid in Konzentrationen von 1 bis 8 M in Betracht. Nutzbar sind ebenfalls konzentrierte Salzlösungen > 1 M NaCl, KCl, LiCl etc., Reagenzien wie beispielsweise Harnstoff (> 1 M) und Kombinationen dieser Bestandteile. Die in der Lösung der chaotropen Salze vorhandenen niederen Alkohole sind Methanol, Ethanol, Isopropanol, Butanol und Pentanol in Mengen von 1 bis 50 %, insofern sie in diesen Bereichen mit Wasser mischbar sind. Die vorzugsweise verwendbaren Ethylenglykole weisen Molekulargewichte von 1.000 bis 100.000, insbesondere von 6.000 bis 8.000 auf. Das Polyethylenglykol kann dem Puffer hoher Ionenstärke in Mengen von 1 bis 30 % zugesetzt sein.

Die Partikelgröße der mineralischen Trägermaterialien beträgt vorzugsweise 0,1  $\mu$ m bis 1.000  $\mu$ m. Werden poröse mineralische Träger verwendet wie beispielsweise poröses Silicagel, poröses Glas, poröses Aluminiumoxid, Zeolithe weisen die Poren vorzugsweise eine Porengröße von 2 bis 1.000 nm auf. Das Trägermaterial kann beispielsweise in Form loser Schüttungen vorliegen und mit den die zu trennenden und reinigenden Nucleinsäuren enthaltenden Lösungen in Kontakt gebracht werden.

Vorzugsweise sind jedoch die porösen und nicht porösen Trägermaterialien als Filterschichten ausgebildet und in einem Hohlkörper mit Ein- und Auslaßöffnung angeordnet. Die Filterschichten bestehen entweder aus gerichteten (gewebten)

- 11 -

oder ungerichteten Fasern aus Glas, Quarz, Keramik oder anderen Materialien wie Mineralien oder aus einer Membran, in der Silicagel angeordnet ist.

Das erfindungsgemäße Verfahren ist in hervorragender Weise geeignet, Nucleinsäuregemische zu trennen, insbesondere auch kürzkettige Nucleinsäuren, die sich in den Kettenlängen nur geringfügig unterscheiden. So lassen sich beispielsweise DNA-Fragmente einer Größe von beispielsweise 100 bp von kleineren einzelsträngigen Oligonucleotiden zum Beispiel einem 39 mer trennen. Dabei wird die DNA-Ausbeute dann um 60 bis 70 % gesteigert, verglichen mit anderen konventionellen Reinigungsmethoden, wie Ultrafiltration, HPLC oder Verwendung chaotroper Salze allein.

Bei Anwendung des erfindungsgemäßen Verfahrens, bei dem der Aufschluß der Nucleinsäuren enthaltenden Quellen im Aufnahme- (Adsorptions-)puffer erfolgt, wird eine Nucleinsäure- präparation mit bestimmten Längenspektrum der Nucleinsäure möglich.

Das erfindungsgemäße Verfahren erlaubt es, Nucleinsäuregemische jeglicher Herkunft zu bearbeiten. So lassen sich Nucleinsäuren aus biologischen Quellen wie Geweben jeder Art, Körperflüssigkeiten wie Blut, Faeces nach entsprechender Probenvorbereitung, die jedenfalls eine Aufnahme der Probe in einer Lösung hoher Salzkonzentration, vorzugsweise hoher Konzentration an chaotropen Ionen umfaßt, gewinnen. Auch Nucleinsäuren, die durch chemische Reaktionen entstanden sind, wie solche, die durch Polymerasekettenreaktion (PCR) erhalten wurden oder Plasmid-DNA, genomische DNA und RNA und/oder Nucleinsäuren, die aus Mikroorganismen stammen, lassen sich erfindungsgemäß trennen und reinigen.

Das erfindungsgemäße Verfahren ist ebenfalls geeignet, sogenannte Plasmid-DNA-Minipräparationen aus Escherichia Coli für die anschließende Klonierung oder Sequenzierung zu

verwenden; ebenfalls geeignet ist das erfindungsgemäße Verfahren zur Isolierung von DNA und/oder RNA aus Vollblut, Plasma, Serum, Geweben, Zellkultur, Bakterien, insbesondere Mycobakterium tuberlosis, Viren wie Cytomegalie-Virus (Nucleinsäure DNA) aus RNA-Viren wie HIV, Hepatitis B, Hepatitis C, Hepatitis- $\delta$ . Nucleinsäuren im Sinne des erfindungsgemäßen sind auch Oligonucleotide. Die Nucleinsäuren können desweiteren aus Sequenzierreaktionen oder anderen vergleichbaren Reaktionen stammen. Die Präparation von DNA oder RNA aus Vollblut ist inbesondere geeignet zur anschließenden HLA-Typisierung. Das erfindungsgemäße Verfahren ist insbesondere geeignet zur Isolierung von Nucleinsäuren aus Mycobakterium tuberkulosis. Hierbei müssen drastische Aufschlußmethoden eingehalten werden, konventionelle Isolierungstechniken nur unbefriedigende Resultate liefern.

Eine im erfindungsgemäßen Verfahren vorzugsweise zu verwendende Vorrichtung ist ein insbesondere zylindrischer Hohlkörper mit einer Ein- und Auslaßöffnung. In der Nähe der Auslaßöffnung, in Fließrichtung der Lösung durch den Hohlkörper gesehen, ist das mineralische Trägermaterial angeordnet, an welchem die Nucleinsäuren zu adsorbiert werden. Eine Einrichtung, die in einer bevorzugten Ausführungsform aus zwei übereinander angeordneten, einen Zwischenraum bildenden Polyethylenfritte besteht, fixiert das Trägermaterial, welches sich im Zwischenraum zwischen den Polyethylenfritten befindet, in dem Lumen des Hohlkörpers. Die Einrichtung zur Befestigung des Trägermaterials kann auch eine selbsttragende Membran sein, in der das Trägermaterial eingebettet ist. Die Befestigung des Trägermaterials bzw. der Einrichtungen, die das Trägermaterial fixieren, kann durch Reibungs- oder Spannungskräfte, wie sie beispielsweise durch Einklemmen dieser Einrichtungen in dem Hohlkörper entstehen, bewirkt werden und/oder durch eine Fixierung der Einrichtungen mit einem Spannring erfolgen.

- 13 -

Die Porengröße der Einrichtung, vorzugsweise Polyethylenoder Polypropylenfritten, muß dabei groß genug sein, um die Bestandteile des Lysates verstopfungsfrei hindurchfließen zu lassen. Vorzugsweise haben die Einrichtungen eine Porengröße von 5 bis 200  $\mu$ m. Diese Vorrichtung erlaubt erstmals die einfache, schnelle und reproduzierbare Isolierung von Nucleinsäuren auch aus hochviskosen Lysaten, die sehr viel Protein enthalten (z.B. Blutlysate, welche einen sehr hohen Hämoglobingehalt aufweisen).

In einer besonders bevorzugten Ausführungsform ist das mineralische Trägermaterial eine netzartige Membran aus Silicagel-, Glas- oder Quarzfasern, mit einer Porengröße < 5  $\mu$ m, an die die freigesetzten Nucleinsäuren adsorbiert werden.

Eine ebenfalls bevorzugte Ausführungsform stellt eine Vorrichtung dar, bei der das mineralische Trägermaterial ein partikelförmiges anorganisches Polymeres wie Kieselgel oder Quarzgel mit einer Partikelgröße von 1 bis 50  $\mu m$  ist.

Der Hohlkörper kann zum Beispiel ein handelsübliches Röhrchen sein. Zwischen den zwei eng eingepreßten Einrichtungen, zum Beispiel Polyethylenfritten mit einer Porengröße von 50 bis 200  $\mu$ m, befindet sich eine oder mehrere Lagen einer Membran mit 0,1 bis 1  $\mu$ m großen Poren, welche aus Silica-, Glas- oder Quarzfasern oder Kieselgelen besteht. Die Membran weist eine Dicke von ca. 0,2 bis 1,0 mm, insbesondere 0,6 mm auf.

Die Kapazität des Membranmaterials ist etwa 20 bis 100  $\mu$ g DNA. Durch Übereinanderlegen entsprechender Membranen läßt sich selbstverständlich die Kapazität für DNA erhöhen. Bei geringer mechanischer Belastung ist auch ein randständiges Verschweißen oder Verkleben der Membran denkbar, wodurch die stabilisierende Wirkung der Einrichtungen entfallen kann, so daß die Membran den Hohlkörper ohne die Einrichtungen

verschließt. Dabei kann die Membran durch das Aufsetzen eines Spannringes im Hohlkörper fixiert werden.

Es ist ebenfalls möglich, mit dem beschriebenen Kieselgel, das zwischen 2 Polyethylen-Fritten mit einer Porengröße von 35  $\mu$ m angeordnet ist, kleine Säulen zu füllen. Vorzugsweise wird die obere Einrichtung mit größeren Poren (10 - 250  $\mu$ m, insbesondere 50  $\mu$ m) gewählt. Die Säulen werden vorzugsweise mit ca. 70 mg Silicagel entsprechend 3 mm Füllhöhe beschickt.

Bevorzugt ist auch die Anwendung des oben beschriebenen Verfahrens in Strips mit je 8 parallelen Präparations-möglichkeiten, im Mikrotitrationsplattenformat (96 Präparationsmöglichkeiten fast gleichzeitig) und/oder in Kombination mit einem Filtrationsschritt und/oder einem Entsalzungsschritt. (Siehe Patentanmeldungen P 41 27 276.5, P 41 39 664.2 des gleichen Anmelders).

In einer bevorzugten Ausführungsform der Vorrichtung wird eine 0,5 bis 1,5 mm dicke Polyethylenfritte mit einer Porosität von ca. 10  $\mu$ m in eine Zentrifugen-Chromatographiesäule in Form eines im wesentlichen zylindrischen Hohlkörpers eingeklemmt. Über diese Fritte ist eine etwa doppelt so dicke Schicht aus Silicagel einer Partikelgröße von etwa 10 bis 15  $\mu$ m und einer Porosität von 40 bis 120 Å und mit einer zweiten Fritte, die von gleicher Art sein kann wie die erste Fritte, verschlossen. Vorzugsweise kann die Silicagelschicht durch Druck zwischen den Fritten komprimiert werden.

Eine andere Ausführungsform der Chromatographiesäule weist als Trägermaterial Glasfaserbruchstücke mit einer Länge von 10 bis 300  $\mu$ m zwischen zwei Polyethylenfritten auf, die eine Porosität von ca. 50  $\mu$ m besitzen. Als Trägermaterial kommen auch Glasfaserpapiere, Quarzfaserpapiere, Glasfasergewebe und andere mineralische Papiere und Gewebe in Betracht.

Eine weitere bevorzugte Ausführungsform der Vorrichtung weist eine Membran, in die Silicagelpartikel eingebettet sind, in der Nähe der Auslaßöffnung auf. In diesem Fall kann die vorzugsweise selbsttragende Membran insbesondere mit einem Spannring fixiert werden. Als Silicagelmembran kommt in vorteilhafter Weise eine Empore-Silicagel-Membran der Firma 3M in Betracht. Ebenfalls, insbesondere mit einem Spannring, läßt sich eine Silicalgelmembran bestehend aus Silicagel und porösem PVC im Lumen des zylindrischen Hohlkörpers befestigen.

In einer bevorzugten Ausführungsform des erfindungsgemäßen Verfahrens wird die beschriebene Vorrichtung beispielsweise in einer ihrer Ausführungsformen mit der Lösung des zu trennenden Nucleinsäuregemisches beschickt. Die Lösung wird dann durch Anlegen eines Unterdrucks oder Zentrifugation oder gleichwirkende Maßnahme sowie Kombinationen davon durch den mineralischen Träger passiert. Dabei werden die Nucleinsäuren an dem Trägermaterial adsorbiert, sofern die Lösung eine hohe Ionenstärke (Salzkonzentration) aufweist.

Die Erfindung wird anhand der nachfolgenden Beispiele näher erläutert.

#### Beispiel 1

Isolierung von high copy Plasmid-DNA

Das Plasmid pUC 18 enthaltende E. coli Zellen aus einer 3 ml HB 101 Kultur werden abzentrifugiert und in 0,25 ml Puffer P1 (10 mM Tris-HCl, pH 8, 100  $\mu$ g/ml RNAseA) resuspendiert und durch die Zugabe von 0,25 ml Puffer P2 (0,2 M NaOH, 2% SDS) lysiert. Die Probe wird durch die Zugabe von 0,35 ml Puffer N3 (4,2 M Guanidinhydrochlorid, 0,9 M K-Acetat, pH 4,8) neutralisiert und gleichzeitig auf eine Endkonzentration von 1,75 M GuHCl eingestellt. Diese Konzentration gewährleistet eine Bindung ohne weitere Schritte. Die lysierte

Probe wird 10 min. bei 13.000 rpm in einer Eppendorf-Minizentrifuge abzentrifugiert, um die Zellbruchstücke und das ausgefallene SDS zu entfernen. Der Überstand mit der Plasmid-DNA wird sofort auf eine Zentrifugen-Chromatographiesäule pipettiert. Die Zentrifugen-Chromatographiesäule wird in einem 2 ml Zentrifugenröhrchen zentrifugiert und durch nochmaliges Zentrifugieren von 0,5 ml PB Puffer (5 M Guanidinhydrochlorid, 30 % Isopropanol) gewaschen, um Verunreinigungen und Proteine zu entfernen. Die Zentrifugen-Chromatographiesäule wird 1 x durch Durchzentrifugieren von 80 % Ethanol/Wasser salzfrei gewaschen und anschließend 30 bis 60 sec. zentrifugiert, um das überschüssige Ethanol komplett zu entfernen. Zur Elution werden 0,05 - 0,2 ml Elutionspuffer (10 mM Tris-HCl, pH 8,5) durch die Zentrifugen-Chromatographiesäule in ein 1,5 ml- Zentrifugenröhrchen zentrifugiert. Die Plasmid-DNA liegt jetzt in konzentrierter Form in einer Lösung mit sehr niedriger Salzkonzentration vor. Die Ausbeute beträgt 15  $\mu g$  bis 20  $\mu g$  Plasmid-DNA mit einem A260/A280 Verhältnis von 1,75.

### Beispiel 2

Isolierung von high copy Plasmid-DNA aus 5 ml Kulturen

Nach Beispiel 1 wird ein Zell-Lysat einer 5 ml Plasmid pUC 18/XL 1 Blue Kultur hergestellt und durch eine Zentrifugen-Chromatographiesäule, welche eine Silicalgelschüttung enthält, zentrifugiert und gewaschen. Die Plasmid-DNA wird mit 0,1 ml auf 80°C erwärmtem TE-Puffer (10 mM Tris-HCl, pH 8,5, 1 mM EDTA) eluiert. Die Ausbeute beträgt 15 - 20  $\mu$ g Plasmid DNA mit einem A260/A280 Verhältnis von 1,7.

# Beispiel 3

Isolierung von low copy Plasmid-DNA

Nach Beispiel 1 wird ein Zell-Lysat einer 5 ml Plasmid pBR322/XL 1 Blue Kultur hergestellt und durch eine Zentrifugen-Chromatographiesäule mit einer Glas- oder Quarzfasermembran zentrifugiert und gewaschen. Die Plasmid-DNA wird mit 0,1 ml auf 80°C erwärmten TE-Puffer (10 mM Tris-HCl, pH 8,5, 1mM EDTA) eluiert. Die Ausbeute beträgt 5 - 10  $\mu$ g Plasmid DNA mit einem A260/A280 Verhältnis von 1,7.

# Beispiel 4

Reinigung von Amplifikationsprodukten

Eine 100  $\mu$ l PCR-Amplifikationsreaktion wird mit 500  $\mu$ l Puffer PB (5 M GuHCl, 30% Isopropanol) vermischt, wobei ein vorheriges Abtrennen des den Reaktionsansatz überschichtenden Paraffinöls nicht nötig ist. Dieses Gemisch wird auf eine Zentrifugen-Chromatographiesäule, welche eine Silicagelmembran enthält, pipettiert und in einem 1,5 ml Zentrifugenröhrchen zentrifugiert. Die Zentrifugen-Chromatographiesäule wird durch Behandeln mit 80% EtOH/Wasser annähernd salzfrei gewaschen. Zur Elution werden 50  $\mu$ l Elutionspuffer (10 mM Tris, pH 8,5) durch die Zentrifugen-Chromatographiesäule in ein anderes Zentrifugenröhrchen zentrifugiert. Das so gereinigte PCR Produkt ist frei von Primern, dNTPs, Polymerase und Salzen und kann beispielsweise direkt für eine Sequenzierungsreaktion in einem ABI-Sequencer unter Verwendung des "Cyle-Sequencing" Protokolls eingesetzt werden.

WO 95/01359 PCT/E

- 18 -

#### <u>Beispiel 5</u>

Reinigung von DNA nach Restriktionsreaktionen

1  $\mu$ g DNA wird mit einer Restriktionsendonuclease behandelt. Diese DNA Restriktionsreaktion wird nach Beispiel 4 mit 500  $\mu$ l PB Puffer vermischt und es wird weiter wie in Beispiel 4 verfahren. Die nach Elution erhaltene DNA ist frei von Restriktionsendonucleasen und Salzen, das 260/280 Verhältnis beträgt 1,8.

## Beispiel 6

Reinigung von DNA nach enzymatischer radioaktiver Markierung

1  $\mu$ g DNA werden mit Hilfe des Oligolabellings, in Anwesenheit von Gamma P32-ATP radioaktiv markiert. Der Reaktionsansatz wird wie in Beispiel 4 behandelt. Hierdurch wird die markierte DNA von nicht eingebauten dNTPs, Gamma-P32 ATP, Salzen und Klenow-Polymerase gereinigt und kann direkt für die Hybridisierungsreaktion eingesetzt werden.

#### Beispiel 7

Nucleinsäure-Präparation aus Blut

Gesamt-Nucleinsäure-Präparation aus Blut: 200  $\mu$ l Citrat-, Heparin- oder EDTA-Blut werden in einem 1.5 ml PPN-Röhrchen mit 200  $\mu$ l einer Lösung aus einem 4 - 8 M chaotropen Salz (Guanidinhydrochlorid (GuHCl), Guanidinisothiocyanat (GTC), Kaliumjodid), evtl. einem organischen Lösungsmittel (Phenol, Chloroform, Ether) und einem 5 - 100 %igen Detergens (NP4O; Tween 20, Triton X-100, SDS, CTAB) versetzt. Anschließend werden 200 -1000  $\mu$ g einer Protease zugefügt und es wird für 10 min. bei 70°C oder für längere Zeit bei niedrigeren Temperaruren (z.B. 30 min bei Raumtemperatur) inkubiert. In

diesem Schritt erfolgen gleichzeitig die effiziente Lyse aller eukaryontischen und/oder prokaryontischen Zellen und/oder Viren (gleichzeitige Inaktivierung infektiöser Pathogene) und Denaturierung und enzymatischer Abbau von Proteinen (gleichzeitig Entfernung der an die Nucleinsäuren gebundenen Proteine). Durch Zugabe von 210  $\mu$ l eines 95 - 100 %igen Alkohols (Methanol, Ethanol, n-Propanol, Isopropanol, PEG, sekundäre und tertiäre, kurz- oder langkettige Alkohole) werden für Nucleinsäuren hochspezifische Bindebedingungen erzeugt und das so eingestellte Lysat wird auf Vorrichtung aufgetragen. Durch Zentrifugation oder Druck wird das Lysat sodann durch die Membran oder Gelmatrix geleitet, wobei die Nucleinsäuren reversibel an die Membranfasern oder Gelpartikel binden. Mit 0,7 ml 100 mM NaCl, 10 mM Tris-HCl pH 7,5, 30 - 80% eines reinen Alkohols (Methanol, Ethanol, n-Propanol, Isopropanol, PEG, sekundäre und tertiäre, kurzoder langkettige Alkohole) oder eines Alkoholgemisches werden die Verunreinigungen wie Proteine, Häm, Heparin, Eisenionen, Metabolite etc. ausgewaschen. Die DNA wird entweder mit einem Niedrigsalzpuffer (10 mM Tris-HCl pH 9,0) oder destiliertem (deionisierten) Wasser eluiert. Der Vorteil Elutionsverfahren besteht darin, daß die so gewonnene DNA direkt ohne weitere Fällungs- oder Umpufferungsschritte in Folgereaktionen, insbesondere der PCR, eingesetzt werden Die Präparation von Nucleinsäuren aus anderen Körperflüssigkeiten wie z.B. Sperma, Sputum, Urin, Stuhl, Schweiß, Speichel, Nasenschleim, Serum, Plasma, Liquor etc. ist auch möglich.

Diese einfache Methode zur Isolierung von Nucleinsäuren weist ein hohes Automatisierungspotential insbesondere in Verbindung mit den Anmeldungsgegenständen der DE-A 41 27 276.5, WO 93/11218, WO 93/11211 und DE-A 41 39 664.2 auf.

- 20 -

## Beispiel 8

Gesamt-Nucleinsäure-Präparation aus geringsten Blutmengen oder Spuren

1 - 50  $\mu$ l Citrat-, Heparin- oder EDTA-Blut, oder gefrorenes und wieder aufgetautes Blut, oder renaturiertes Blut aus getrockneten Spuren in Textilgewebe, werden in einem 1,5 ml PPN-Röhrchen mit 1 - 50  $\mu$ l einer Lösung aus einem 4 - 8 M chaotropen Salz (Guanidinhydrochlorid, Guanidinisothiocyanat, Kaliumjodid), evtl. einem organischen Lösungsmittel (Phenol, Chloroform, Ether) und einem 1 - 100 %igen Detergenz (NP40; Tween 20, Triton X-100, SDS, CTAB) versetzt. Anschließend werden 1 - 200  $\mu$ g einer Protease zugefügt und es wird für 1 min. bei 70°C oder für längere Zeit bei niedrigeren Temperaturen (z.B. 10 min bei Raumtemperatur) inkubiert.

In diesem Schritt erfolgen gleichzeitig die effiziente Lyse aller eukaryontischen und/oder prokaryontischen Zellen und/oder Viren (gleichzeitige Inaktivierung infektiöser Pathogene) und Denaturierung und enzymatischer Abbau von Proteinen (gleichzeitig Entfernung der an die Nucleinsäuren gebundenen Proteine). Durch Zugabe von 1/2 Volumen eines 95 -100 %igen Alkohols (Methanol, Ethanol, n-Propanol, Isopropanol, sekundäre und tertiäre, kurz- oder langkettige Alkohole) oder organischen Polymeren (PEG) werden für Nucleinsäuren hochspezifische Bindebedingungen erzeugt und das so eingestellte Lysat wird auf die Vorrichtung aufgetragen. Durch Zentrifugation oder Druck wird das Lysat sodann durch die Membran oder Gelmatrix geleitet, wobei die Nucleinsäuren reversibel an die Membranfasern oder Gelpartikel binden. Mit 0,7 ml 100 mM NaCl, 10 mM Tris-HCl pH 7,5, 30 - 80% eines reinen Alkohols (Methanol, Ethanol, n-Propanol, Isopropanol, PEG, sekundäre und tertiäre, kurzoder langkettige Alkohole) oder eines Alkoholgemisches werden die Verunreinigungen wie Proteine, Häm, Heparin, Eisenionen, Metabolite etc. ausgewaschen. Die DNA wird entweder mit einem

Niedrigsalzpuffer (10 mM Tris-HCl pH 9,0) oder destilliertem (deionisierten) Wasser eluiert. Der Vorteil dieser Elutionsverfahren besteht darin, daß die so gewonnene DNA direkt ohne weitere Fällungs- oder Umpufferungsschritte in Folgereaktionen, insbesondere der PCR, eingesetzt werden kann.

Dieses Verfahren ist auch zur Präparation von Nucleinsäuren aus kleinsten Mengen anderer Körperflüssigkeiten (Sperma, Sputum, Urin, Stuhl, Schweiß, Speichel, Nasenschleim, Serum, Plasma, Liquor etc.) oder getrockneten Spuren derselben geeignet.

Diese einfache Methode zur Isolierung von Nucleinsäuren weist ein hohes Automatisierungspotential insbesondere in Verbindung mit den Anmeldungsgegenständen der DE-A 41 27 276.5, WO 93/11218, WO 93/11211 und DE-A 41 39 664.2 auf.

### Beispiel 9

Gesamt-Nucleinsäure-Präparation aus Gewebe

100 µg bis 10 mg eines Gewebes werden in einem PPN-Röhrchen mit einer Lösung aus einem 4 - 8 M chaotropen Salz (Guanidinhydrochlorid, Guanidinisothiocyanat, Kaliumjodid), evtl. einem organischen Lösungsmittel (Phenol, Chloroform, Ether) und einem 5 - 100 %igen Detergens (NP40; Tween 20, Triton X-100, SDS, CTAB) versetzt und mit Hilfe eines kommerziell erhältlichen Homogenisators oder durch Mörsern in flüssigem Stickstoff homogenisiert. Anschließend werden 100 - 1000 µg einer Protease zugefügt und es wird für 10 - 20 min. bei 70°C oder für längere Zeit bei niedrigeren Temperaruren (z.B. 30 - 60 min bei Raumtemperatur) inkubiert. In diesem Schritt erfolgen gleichzeitig die effiziente Lyse aller eukaryontischen und/oder prokaryontischen Zellen und/oder Viren (gleichzeitige Inaktivierung infektiöser Pathogene) und Denaturierung und enzymatischer Abbau von Proteinen

(gleichzeitig Entfernung der an die Nucleinsäuren gebundenen Proteine). Durch Zugabe von ½ Volumen eines 95 - 100 %igen Alkohols (Methanol, Ethanol, n-Propanol, Isopropanol, PEG, sekundäre und tertiäre, kurz- oder langkettige Alkohole) werden für Nucleinsäuren hochspezifische Bindebedingungen so eingestellte Lysat wird auf erzeugt und das Vorrichtung aufgetragen. Durch Zentrifugation oder Druck wird das Lysat sodann durch die Membran oder Gelmatrix geleitet, wobei die Nucleinsäuren reversibel an die Membranfasern oder Gelpartikel binden. Mit 0,7 ml 100 mM NaCI, 10 mM Tris-HCl pH 7,5, 30 - 80% eines reinen Alkohols (Methanol, Ethanol, n-Propanol, Isopropanol, PEG, sekundäre und tertiäre, kurzoder langkettige Alkohole) oder eines Alkoholgemisches werden die Verunreinigungen wie Proteine, Häm, Heparin, Eisenionen, Metabolite etc. ausgewaschen. Die DNA wird entweder mit einem Niedrigsalzpuffer (10 mM Tris-HCl pH 9,0) oder destilliertem (deionisierten) Wasser eluiert. Der Vorteil dieser Elutionsverfahren besteht darin, daß die so gewonnene DNA direkt ohne weitere Fällungs- oder Umpufferungsschritte reaktionen, insbesondere der PCR, eingesetzt werden können.

Diese einfache Methode zur Isolierung von Nucleinsäuren funktioniert reproduzierbar aus allen Geweben, u.a. auch aus Tumoren und weist ein hohes Automatisierungspotential, insbesondere in Verbindung mit den Anmeldungsgegenständen der DE-A-41 27 276.5, WO 93/11218, Wo 93/11211 und DE-A-41 39 664.2 des gleichen Anmelders auf.

#### Beispiel 10

Reinigung von DNA-Fragmenten aus Agarosegelen

Ein DNA-Fragment wird in einem Agarosegel (TAE oder TBE 0,5 - 2% aufgetrennt. Das zu isolierende DNA-Fragment wird aus dem Gel ausgeschnitten und in einem 1,5 ml Eppendorf-Gefäß mit 300  $\mu$ l QX1 Puffer (7 M NaPO<sub>4</sub>, 10 mM NaAc, pH 5,3) vermischt. Nach 10 minütiger Inkubation bei 50°C hat sich die Agarose

aufgelöst. Diese Lösung wird auf eine Zentrifugen-Chromatographiesäule nach Beispiel 1 gegeben und durchzentrifugiert. Die Zentrifugen-Chromatographiesäule wird nun mittels Zentrifugieren von 80% Ethanol/Wasser durch die Säule salzfrei gewaschen und anschließend 1 min. zentrifugiert, um überschüssiges Ethanol komplett zu entfernen. Zur Elution werden 0,05 ml Elutionspuffer (10 mM Tris-HCl, pH 8,5) auf die Chromatographiesäule gegeben und durchzentrifugiert.

# Beispiel 11

Reinigung von DNA-Fragmenten aus Polyacrylamid (PAA)-Gelen

Das zu isolierende DNA-Fragment wird aus dem PAA-Gel ausgeschnitten und in ein 2 ml Eppendorf-Gefäß überführt, zerkleinert und mit 500  $\mu$ l PAA-Elutionspuffer (500 mM NH<sub>4</sub>Ac, 100 mM MgAc<sub>2</sub>, 1 mM EDTA, 0,1 % SDS) vermischt. Das Gemisch wird 30 min. bei 50°C inkubiert und anschließend mit 300  $\mu$ l QX1 Puffer versetzt und über eine Zentrifugen-Chromatographiesäule zentrifugiert. Die Zentrifugen-Chromatographiesäule wird nun mit 80% Ethanol/Wasser salzfrei gewaschen und anschließend 1 min. zentrifugiert, um überschüssiges Ethanol komplett zu entfernen. Zur Elution werden 0,1 ml Elutionspuffer (10 mM Tris-HCl, pH 8,5) auf die Chromatographiesäule gegeben und durchzentrifugiert.

# Beispiel 12

Reinigung von großen (> 3.000 bp) PCR-Fragementen

Eine 100  $\mu$ l PCR-Amplifikationsreaktion wird mit 500  $\mu$ l Puffer QXB (5 M GuHCl) vermischt, wobei ein vorheriges Abtrennen des den Reaktionsansatz überschichtenden Paraffinöls nicht nötig ist. Zur weiteren Aufreinigung wird wie in Beispiel 4 verfahren.

#### <u>Beispiel 13</u>

Reinigung von einzelsträngigen PCR-Produkten

Ein 100  $\mu$ l Amplifikationsansatz einer asymetrischen PCR wird mit 500  $\mu$ l PB-Puffer (5 M GuHC, 30 % Isopropanol) vermischt. Zur weiteren Aufreinigung wird wie in Beispiel 4 verfahren. Zur Elution werden 0,05 ml Elutionspuffer (10 mM Tris-HCl, pH 8,5) auf die Chromatographiesäule gegeben und durchzentrifugiert. Das Eluat enthält ca. 90% des einzelsträngigen PCR-Produktes, welches direkt für die zweite Amplifikation oder zum Sequenzieren eingesetzt werden kann.

# Beispiel 14

Gesamt-Nucleinsäurepräparation aus Gewebe oder Zellen

Bis zu 50 mg eines Gewebes oder bis zu 10 $^6$  Zellen werden in 400  $\mu$ l einer gepufferten chaotropen Lösung (4 M GTC, 25 mM Natriumcitrat pH 7,5, 2 $^*$  2-Mercaptoethanol) - gegebenenfalls versetzt mit einem 5 - 100 $^*$ -igem Detergens (NP40, Tween 20, Triton-X-100, SDS, CTAB, Sarkosyl) - homogenisiert. In diesem Schritt erfolgen gleichzeitig die effiziente Lyse aller eukaryontischer und/oder prokaryontischen Zellen und/oder Viren (gleichzeitige Inaktivierung infektiöser Pathogene) und Denaturierung von Proteinen (insbesondere Ribonucleasen; gleichzeitig Entfernung der an die Nucleinsäuren gebundenen Proteine). Durch Zugabe von 260  $\mu$ l eines 100 $^*$ -igen Alkohols (Methanol, Ethanol, n-Propanol, Isopropanol) werden für Nucleinsäuren hochspezifische Bindebedingungen erzeugt. Das so eingestellte Lysat wird auf die Vorrichtung aufgetragen.

Anschließend werden Verunreinigungen wie Proteine, Häm, Heparin, Metabolite und Polysaccharide mit 700  $\mu l$  eines Waschpuffers bestehend aus 1 M GTC, 25 mM Tris/HCl, pH 7,5,

- 25 -

40 % eines Alkoholes (Methanol, Ethanol, n-Propanol, Isopropanol) sowie 700  $\mu$ l eines Waschpuffers bestehend aus 10 mM Tris/HCl, pH 7,5, 80% eines Alkoholes (Methanol, Ethanol, n-Propanol, Isopropanol) ausgewaschen. Die Nucleinsäuren werden entweder mit einem Niedrigsalzpuffer (10 mM Tris, pH 7,5) oder destilliertem (deionisiertem) Wasser eluiert.

#### <u>Patentansprüche</u>

- 1. Verfahren zur chromatographischen Reinigung und Trennung von Nucleinsäuregemischen durch Adsorption der zu trennenden und reinigenden Nucleinsäuren aus einer Lösung, die eine hohe Salzkonzentration (Ionenstärke) und/oder eine hohe Alkoholkonzentration aufweist an einen Träger, gefolgt von einer Desorption von dem Träger mittels einer Lösung mit geringerer Salzkonzentration (Ionenstärke), dadurch gekennzeichnet, daß das Nucleinsäuregemisch
  - an einem porösen oder nicht porösen mineralischen Träger aus Metalloxiden und/oder Metallmischoxiden, Silicalgel, Materialien, die überwiegend aus Glas bestehen, Aluminiumoxid, Zeolithe, Titandioxid, Zirkondioxid aus einer wäßrigen Adsorptionslösung mit hoher Salzkonzentration (Ionenstärke) und mit 1 bis 50 Vol.-% aliphatischen Alkohols einer Kettenlänge von C, - C, und/oder Polyethylenglykol (PEG) und/oder hydrophobe, anorganische und/oder organische Polymere und/oder organische Säure, wie Trichloressigsäure (TCA), adsorbiert wird,
  - gegebenenfalls mit einer Waschlösung gewaschen und danach
  - mit einer Lösung geringerer Salzkonzentration (Ionenstärke) eluiert wird und die erhaltene Nucleinsäure oder Nucleinsäurefraktion gesammelt wird.
- Verfahren nach Anspruch 1, wobei als Salze in der Adsorptionslösung chaotrope Salze verwendet werden wie Natriumperchlorat, Guanidinhydrochlorid, Guanidin-

isothiocyanat, Natriumjodid in Konzentrationen von 1 bis 8 M.

- 3. Verfahren nach Anspruch 1 und/oder 2, wobei die Ionenstärken der Salzlösungen mit 1 bis 10 M Lithiumchlorid, Natriumchlorid, Kaliumchlorid, Natriumacetat, Reagenzien wie z. B. Harnstoff und/oder Mischungen davon eingestellt wird.
- 4. Verfahren nach mindestens einem der Ansprüche 1 bis 3, wobei die Partikelgröße des mineralischen Trägermaterials 0,1  $\mu m$  bis 1.000  $\mu m$  beträgt.
- 5. Verfahren nach mindestens einem der Ansprüche 1 bis 4, wobei verwendete poröse mineralische Trägermaterialien eine Porengröße von 2 bis 1.000 nm aufweisen.
- 6. Verfahren nach mindestens einem der Ansprüche 1 bis 5, wobei die porösen oder nicht porösen Trägermaterialien, insbesondere Zeolithen, in Form von losen Schüttungen vorliegen.
- 7. Verfahren nach mindestens einem der Ansprüche 1 bis 5, wobei die porösen oder nicht porösen Trägermaterialien, insbesondere Zeolithen, als Filterschichten ausgebildet sind in Form von Filterschichten aus Glas, Quarz oder Keramik und/oder einer Membran, in der Silicagel angeordnet ist und/oder als Partikel oder Fasern aus mineralischen Trägern und Geweben aus Quarz oder Glaswolle vorliegen.
- 8. Verfahren nach mindestens einem der Ansprüche 1 bis 7, wobei die zu trennenden und zu reinigenden Nucleinsäuren aus biologischen Quellen wie Zellkulturen, Geweben jeder Art, Körperflüssigkeiten wie Blut, Plasma, Serum, Urin, Faeces, Mikroorganismen wie Bakterien, insbesondere Mycobakteriumtuberkulosis,

Viren wie Cytomegalie-Virus, HIV, Hepatitis B, Hepatitis C, Hepatitis- $\delta$ -Virus, stammen, die Nucleinsäuren durch Polymerasekettenreaktion (PCR) erhaltene Produkte, Plasmid-DNA, genomische DNA, RNA, Nucleinsäuren aus Mikroorganismen wie Plasmid-DNA, chromosomale DNA oder RNA und/oder Nucleinsäuren aus Sequenzanalysen sind.

- 9. Verfahren nach mindestens einem der Ansprüche 1 bis 8, wobei die Nucleinsäuren nach Fraktionierung zu weniger als 10% kürzer als 10 kb sind.
- 10. Verfahren nach mindestens einem der Ansprüche 1 bis 9, wobei die Nucleinsäuren Oligonucleotide sind.
- 11. Verfahren nach mindestens einem der Ansprüche 1 bis 10, wobei nach der Lyse der Probe die Einstellung von Adsorptionsbedingungen an Silicagel in einem einzigen Schritt erfolgt.
- 12. Verfahren nach Anspruch 11, wobei zur Präparation von Plasmiden nach der alkalischen Lyse der Probe die Einstellung von Adsorptionsbedingungen an Silicagel in einem einzigen Schritt erfolgt
- 13. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 12, wobei zur Plasmidpräparation die Adsorption des Plasmids in Gegenwart von Detergenzien erfolgt.
- 14. Verwendung des Verfahrens nach mindestens einem der Ansprüche 1 bis 13 zur Reinigung und Trennung von Nucleinsäurefragmenten nach Modifizierungsreaktionen.
- 15. Vorrichtung zur Durchführung des Verfahrens nach einem der Ansprüche 1 bis 13 aus einem Hohlkörper mit Einund Auslaßöffnung, wobei im Lumen des Hohlkörpers eine Einrichtung angeordnet ist, die das Trägermaterial zur

Adsorption der zu trennenden Nucleinsäuren fixiert, dadurch gekennzeichnet, daß

- die Einrichtung zwei übereinander angeordnete, einen Zwischenraum ausbildenden Polyethlenfritten sind, wobei das Trägermaterial zwischen den Polyethylenfritten angeordnet ist oder
- die Einrichtung eine selbsttragende Membran ist, in welcher das Trägermaterial eingebettet ist.
- 16. Vorrichtung nach Anspruch 15, wobei die Befestigung der Einrichtungen im Lumen des Hohlkörpers durch Reibungsund/oder Spannungskräfte und/oder durch Fixierung mit einem Spannring erfolgt.
- 17. Wäßrige Lösung enhaltend Salze hoher Konzentrationen und 1 50 Vol-\*, C<sub>1</sub> C<sub>5</sub> Alkohole und/oder PEG und/oder hydrophobe anorganische und/oder organische Polymere.
- 18. Verwendung einer Lösung nach Anspruch 17 als Pufferlösung zur Bindung von Nucleinsäuren an mineralische Träger aus Nucleinsäuren enthaltenden Gemischen.
- 19. Zusammenstellungen in Kitform enthaltend eine wäßrige Lösung nach Anspruch 17 sowie Vorrichtungen nach einem der Ansprüche 15 und/oder 16.

# INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Internation No PCT/EP 94/02056

		1	,
A. CLASS IPC 6	CO7H1/08 C12N15/10 C07H21/	′00	
According	to International Patent Classification (IPC) or to both national class	sification and IPC	
B. FIELD	S SEARCHED		
Minimum of IPC 6	tocumentation searched (classification system followed by classific CO7H C12N B01D	ation symbols)	-
Documenta	tion searched other than minimum documentation to the extent tha	it such documents are incl	ided in the fields scarched
Electronic	lata base consulted during the international search (name of data b	ase and, where practical,	tearch terms used)
C. DOCUM	IENT'S CONSIDERED TO BE RELEVANT		·
Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the	relevant passages	Relevant to claim No.
X	WO,A,93 11221 (DIAGEN INSTITUT F MOLEKULARBIOLOGISCHE DIAGNOSTIK June 1993 cited in the application see claims; examples		1-19
X	EP,A,O 389 063 (AKZO N.V.) 26 Se 1990 see claims; examples	eptember	1-16
Furt	her documents are listed in the continuation of box C.	X Patent family r	nembers are listed in annex.
"A" docume consider filing of the docume which citation other row docume of the row docume of the row docume r	ent which may throw doubts on priority claim(s) or is cited to establish the publication date of another n or other special reason (as specified) ent referring to an oral disclosure, use, exhibition or	or priority date an cited to understand invention  'X' document of partic cannot be consider involve an inventio.  'Y' document of partic cannot be consider document is combinent, such combinents, such combinents.	lished after the international filing date of not in conflict with the application but the principle or theory underlying the ular relevance; the claimed invention ed novel or cannot be considered to e step when the document is taken alone ular relevance; the claimed invention ed to involve an inventive step when the ned with one or more other such docunation being obvious to a person skilled of the same patent family
	November 1994	Date of mailing of	the international search report
	nailing address of the ISA	Authorized officer	
	European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswyk Tel. (+ 31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+ 31-70) 340-3016	Day, G	

•1

# INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

Internation: optication No
PCT/EP 94/02056

Patent document cited in search report	Publication date	Patent family member(s)		Publication date
WO-A-9311221	10-06-93	DE-A- WO-A- EP-A- EP-A-	4139664 9311218 0616638 0616639	03-06-93 10-06-93 28-09-94 28-09-94
EP-A-0389063	26:-09-90	NL-A- AU-B- AU-A- CA-A- JP-A- US-A-	8900725 641641 5215390 2012777 2289596 5234809	16-10-90 30-09-93 27-09-90 23-09-90 29-11-90 10-08-93

# INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Internation Aktenzeichen PCT/EP 94/02056

IPK 6	SIFIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES CO7H1/08 C12N15/10 C07H21/0	00	
Noch der li	nternationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen K	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
	RCHIERTE GEBIETE	Gazangadon una der 11 12	
	rter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymb	pole )	
IPK 6	CO7H C12N B01D	•	
Recherchie	rte aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, s	oweit diese unter die recherchierten Gebiet	e fallen
Während d	er internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (N	Name der Datenbank und evtl. verwendete	Suchbegriffe)
C. ALS W	ESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN		
Kategorie*	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angal	be der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
Х	WO,A,93 11221 (DIAGEN INSTITUT FU MOLEKULARBIOLOGISCHE DIAGNOSTIK ( Juni 1993 in der Anmeldung erwähnt siehe Ansprüche; Beispiele		1-19
x	EP,A,O 389 O63 (AKZO N.V.) 26. Se 1990 siehe Ansprüche; Beispiele	eptember	1-16
			,
			·
	tere Veröffentlichungen sind der Fortsetzung von Feld C zu ehmen	X Siche Anhang Patentfamilie	
* Besondere  'A' Veröff aber n  'E' älteres Anme 'L' Veröff schein andere soll oc ausgef 'O' Veröff eine B 'P' Veröff	Kategorien von angegebenen Veröffentlichungen : entlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, icht als besonders bedeutsam anzuschen ist.  Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen lidedatum veröffentlicht worden ist. entlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft eren zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer mim Recherchenbericht genannten Veröffentlichung belegt werden die dus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie	kann nicht als auf erfinderischer Tätig werden, wenn die Veröffentlichung mi Veröffentlichungen dieser Kategorie in diese Verbindung für einen Fachmann '&' Veröffentlichung, die Mitglied derselb	nt worden ist und mit der ur zum Verständnis des der oder der ihr zugrundeliegenden utung; die beanspruchte Erfindung ichtung nicht als neu oder auf achtet werden utung; die beanspruchte Erfindung keit beruhend betrachtet it einer oder mehreren anderen in Verhindung gebracht wird und in naheliegend ist en Patentfamilie ist
	Abschlusses der internauonalen Recherche	Absendedatum des internationalen Re	cherchenberichts
8	. November 1994	1 6. 11. 94	
Name und	Postanschrift der Internauonale Recherchenbehörde Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk	Bevollmächtigter Bediensteter	
	Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax. (+31-70) 340-3016	Day, G	

# INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Angaben zu Veröffentlichungen, ... zur selben Patentfamilie gehören

Internation: Aktenzeichen
PCT/EP 94/02056

Im Recherchenbericht angeführtes Patentdokument	Datum der Veröffentlichung	Mitglied(er) der Patentfamilie		Datum der Veröffentlichung
WO-A-9311221	10-06-93	DE-A- WO-A- EP-A- EP-A-	4139664 9311218 0616638 0616639	03-06-93 10-06-93 28-09-94 28-09-94
EP-A-0389063	26-09-90	NL-A- AU-B- AU-A- CA-A- JP-A- US-A-	8900725 641641 5215390 2012777 2289596 5234809	16-10-90 30-09-93 27-09-90 23-09-90 29-11-90 10-08-93